

SELEZIONE PUBBLICA MEDIANTE VALUTAZIONE COMPARATIVA, PER IL RECLUTAMENTO DI UN RICERCATORE A TEMPO DETERMINATO AI SENSI ART. 24, COMMA 3, LETTERA B) L. 240/10 PER IL SETTORE CONCORSUALE 05/I1 GENETICA PRESSO IL DIPARTIMENTO DI SCIENZE AGROALIMENTARI AMBIENTALI E ANIMALI DELL'UNIVERSITÀ DEGLI STUDI DI UDINE, BANDITA CON D.R. N. 453 DEL 27/08/2018, IL CUI AVVISO È PUBBLICATO NELLA G.U. N. 72 DEL 11/09/2018

La Commissione giudicatrice, terminati i lavori della selezione in oggetto, formula la seguente

RELAZIONE FINALE

La Commissione giudicatrice, costituita in base al D.R. N. 807 del 29/11/2018, si è riunita in prima seduta il giorno 22 gennaio 2019, alle ore 10.00 ed ha designato quale Presidente il Prof. Rodolfo Costa e quale Segretario il Prof. Michele Morgante; in tale seduta ha preso atto dei criteri per la selezione dei candidati.

La Commissione giudicatrice si è riunita il giorno 24 gennaio 2019 alle ore 11.00 per la valutazione preliminare comparativa; in tale seduta ha proceduto a prendere visione dei candidati ammessi, ha proceduto all'esame dei titoli, del curriculum e della produzione scientifica, ivi compresa la tesi di dottorato, presentati da ognuno, ha formulato per ciascun candidato un motivato giudizio analitico ed ha infine effettuato la valutazione comparativa dei candidati.

La Commissione giudicatrice si è riunita il giorno 19 febbraio 2019 alle ore 13.30 per la discussione dei titoli e della produzione scientifica attribuendo un punteggio ai titoli e a ciascuna delle pubblicazioni presentate dai candidati, designando il vincitore e formulando la graduatoria.

La Commissione, con deliberazione assunta all'unanimità dei componenti, dichiara vincitore della presente selezione il sottoindicato candidato:

Marroni Fabio	Punteggio	83,6
---------------	-----------	------

e formula la seguente graduatoria:

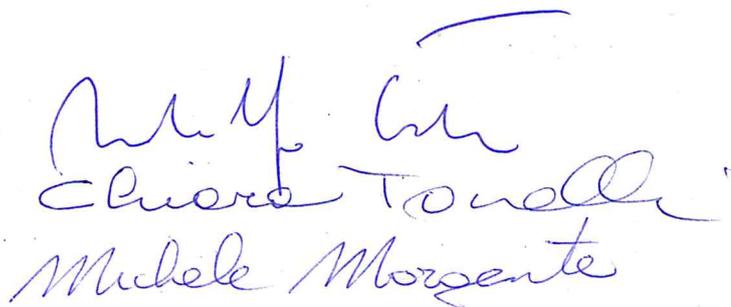
Marroni Fabio	Punteggio	83,6
---------------	-----------	------

Alla presente relazione finale sono annessi tutti gli allegati delle singole fasi della procedura, che ne fanno parte integrante.

Il prof. Michele Morgante si impegna a consegnare gli atti della presente selezione al Responsabile del Procedimento.

Udine, 19 febbraio 2019

Prof. Rodolfo Costa	Presidente
Prof. Chiara Tonelli	Componente
Prof. Michele Morgante	Segretario



VERBALI DELLA COMMISSIONE GIUDICATRICE DELLA SELEZIONE PUBBLICA MEDIANTE VALUTAZIONE COMPARATIVA, PER IL RECLUTAMENTO DI UN RICERCATORE A TEMPO DETERMINATO AI SENSI ART. 24, COMMA 3, LETTERA B) L. 240/10 PER IL SETTORE CONCORSUALE 05/I1 GENETICA PRESSO IL DIPARTIMENTO DI SCIENZE AGROALIMENTARI AMBIENTALI E ANIMALI DELL'UNIVERSITÀ DEGLI STUDI DI UDINE, BANDITA CON D.R. N. 453 DEL 27/08/2018, IL CUI AVVISO È PUBBLICATO NELLA G.U. N. 72 DEL 11/09/2018

ALLEGATO 1) al Verbale 1

CRITERI DI VALUTAZIONE

La Commissione giudicatrice della selezione in oggetto prende atto dei criteri di valutazione previsti dal bando.

La selezione avviene mediante valutazione preliminare dei candidati con motivato giudizio analitico sui titoli, sul curriculum e sulla produzione scientifica, ivi compresa la tesi di dottorato.

La commissione giudicatrice effettua una motivata valutazione seguita da una valutazione comparativa, facendo riferimento allo specifico settore concorsuale e al profilo indicato nell' art. 1 del bando, del curriculum e dei seguenti titoli, debitamente documentati, dei candidati:

- a) dottorato di ricerca o equipollenti, ovvero, per i settori interessati, il diploma di specializzazione medica o equivalente, conseguito in Italia o all'estero;
- b) eventuale attività didattica a livello universitario in Italia o all'estero;
- c) documentata attività di formazione o di ricerca presso qualificati istituti italiani o stranieri;
- d) documentata attività in campo clinico relativamente ai settori concorsuali nei quali sono richieste tali specifiche competenze;
- e) realizzazione di attività progettuale relativamente ai settori concorsuali nei quali è prevista;
- f) organizzazione, direzione e coordinamento di gruppi di ricerca nazionali e internazionali, o partecipazione agli stessi;
- g) titolarità di brevetti relativamente ai settori concorsuali nei quali è prevista;
- h) relatore a congressi e convegni nazionali e internazionali;
- i) premi e riconoscimenti nazionali e internazionali per attività di ricerca;
- j) diploma di specializzazione europea riconosciuto da Board internazionali, relativamente a quei settori concorsuali nei quali è prevista.

La valutazione di ciascun titolo è effettuata considerando specificamente la significatività che esso assume in ordine alla qualità e quantità dell'attività di ricerca svolta dal singolo candidato.

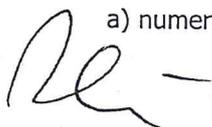
La commissione giudicatrice effettua la valutazione comparativa delle pubblicazioni di cui all'art. 4 del bando sulla base dei seguenti criteri:

- a) originalità, innovatività, rigore metodologico e rilevanza di ciascuna pubblicazione scientifica;
- b) congruenza di ciascuna pubblicazione con il settore concorsuale per il quale è bandita la procedura e col profilo indicato nell' art. 1 del bando, ovvero con tematiche interdisciplinari ad essi correlate;
- c) rilevanza scientifica della collocazione editoriale di ciascuna pubblicazione e sua diffusione all'interno della comunità scientifica;
- d) determinazione analitica, anche sulla base di criteri riconosciuti nella comunità scientifica internazionale di riferimento, dell'apporto individuale del candidato nel caso di partecipazione del medesimo a lavori in collaborazione.

La commissione giudicatrice valuta altresì la consistenza complessiva della produzione scientifica del candidato, l'intensità e la continuità temporale della stessa, fatti salvi i periodi, adeguatamente documentati, di allontanamento non volontario dall'attività di ricerca, con particolare riferimento alle funzioni genitoriali.

La commissione, nel valutare le pubblicazioni, si avvale anche dei seguenti indicatori, riferiti alla data di scadenza dei termini delle candidature:

- a) numero totale delle citazioni;



- b) numero medio di citazioni per pubblicazione;
- c) "impact factor" totale;
- d) "impact factor" medio per pubblicazione;
- e) combinazioni dei precedenti parametri atte a valorizzare l'impatto della produzione scientifica del candidato (indice di Hirsch o simili).

La commissione prende atto che il bando prevede che i candidati possano presentare le pubblicazioni nel numero massimo di diciotto.

Qualora il candidato presenti un numero di pubblicazioni superiore al limite indicato, la commissione giudicatrice procederà alla valutazione delle stesse in numero pari al limite di cui sopra e nell'ordine riportato nell' "Elenco delle pubblicazioni presentate" dal candidato. Nel caso in cui il candidato non presenti tale elenco, in numero pari al limite di cui sopra, prendendo in considerazione le più recenti come data di pubblicazione.

A seguito della valutazione preliminare i candidati comparativamente più meritevoli, in regola con i requisiti di cui all'art. 2, primo comma, del bando, e con gli eventuali requisiti ulteriori indicati nel medesimo articolo, saranno ammessi, in misura compresa tra il 10 e il 20 per cento del numero degli stessi e comunque non inferiore a sei unità, alla discussione pubblica con la commissione dei titoli e della produzione scientifica. Saranno tutti ammessi alla discussione qualora il loro numero sia pari o inferiore a sei.

L'esito della valutazione preliminare verrà pubblicato all'Albo on-line di Ateneo e nel sito web dell'Ateneo.

Contestualmente alla discussione dei titoli e delle pubblicazioni la commissione accerterà, con apposita prova orale, la adeguata conoscenza della lingua inglese.

A seguito della discussione la commissione giudicatrice attribuirà un punteggio ai titoli e a ciascuna delle pubblicazioni presentate dai candidati ammessi.

Il punteggio massimo attribuibile a titoli e pubblicazioni è pari a 100 ed è così ripartito: *(riportare la ripartizione del punteggio indicata nel bando)*

- titoli 50 punti
- pubblicazioni 50 punti

Letto, approvato e sottoscritto.

22 gennaio 2019

Prof. Rodolfo Costa

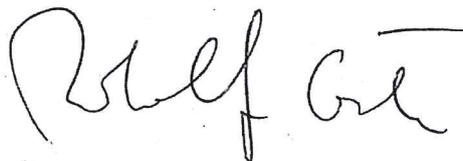
Presidente

Prof. Chiara Tonelli

Componente

Prof. Michele Morgante

Segretario



ALLEGATO A al Verbale 2
Valutazione dei titoli, del curriculum e della produzione scientifica

- **Candidato:** Marroni Fabio

Tipologie di titoli	Titoli presentati dal candidato e valutati
Dottorato di ricerca o equipollenti*, ovvero, per i settori interessati, il diploma di specializzazione medica o equivalente, conseguito in Italia o all'estero	Dottorato di ricerca in Oncologia sperimentale e molecolare, Università di Pisa, 2005
Eventuale attività didattica a livello universitario in Italia o all'estero	Docente del modulo di Genetica del corso di Biologia presso il Corso di Laurea in Igiene e Sanità Animale dell'Università degli Studi di Udine, anni accademici 2008-2009 e 2009-2010 Seminari e lezioni presso università ed enti di ricerca italiani ed esteri
Documentata attività di formazione o di ricerca presso qualificati istituti italiani o stranieri	Ricercatore a Tempo Determinato di tipo A (L.240/10), Università di Udine, 2012-2017 Assistente di Laboratorio con mansioni di ricerca, Istituto di Genomica Applicata, Udine, 2008-2012 Collaboratore Scientifico e Responsabile della sezione di Epidemiologia Genetica e Biostatistica, EURAC research, Bolzano, 2005-2008 Collaboratore NIH/NHGRI, Baltimore, MD (USA), 2005
Documentata attività in campo clinico relativamente ai settori concorsuali nei quali sono richieste tali specifiche competenze	
Realizzazione di attività progettuale relativamente ai settori concorsuali nei quali è prevista	
Organizzazione, direzione e coordinamento di gruppi di ricerca nazionali e internazionali, o partecipazione agli stessi	Collaborazione al progetto "EUROSPAN: EUROpean special populations research Network: quantifying and harnessing genetic variation for gene discovery (FP6, Grant Number LSHG-CT-2006-018947)". Collaborazione al progetto "ENERGYPOPLAR: Enhancing Poplar Traits for Energy Applications (FP7, grant 211917)" Collaborazione al progetto "NOVABREED Novel variation in plant breeding and the plant pan-genomes." (ERC Advanced Grant, grant number 294780). Collaborazione al progetto "DEANN, Developing an European American NGS Network" (Marie Curie Research Staff Exchange, Grant 612583).
Titolarità di brevetti relativamente ai settori concorsuali nei quali è prevista	
Relatore a congressi e convegni nazionali e internazionali	Meeting della società italiana di Bioinformatica (Torino, 27-29 Giugno 2018) GRAcious symposium on grape genetics, genomics and physiology (Sde Boqer, Israele, 29-31 Ottobre 2014) Bioinformatica 3, meeting del gruppo toscano della società italiana di bioinformatica (Pisa, 20 Ottobre 2014) Speaker al workshop "Next Generation Biology: approaches for Genome Wide Analyses", organizzato dalla Scuola di Dottorato in Scienze della Vita della Scuola Superiore Sant'Anna, Pisa, 2014 Giornata di studio sui Big Data dal titolo "Big data: una sfida ricca di opportunità" (Università di Udine) 2013 Workshop "Genome analysis tools applied to forest tree breeding" organizzato nell'ambito del progetto Noveltree, Helsinki, Finlandia, 2012
Premi e riconoscimenti nazionali e internazionali per attività di ricerca	Editore per la rivista Frontiers in Plant Sciences, section Technical Advances
Diploma di specializzazione europea riconosciuto da Board internazionali, relativamente a quei settori concorsuali nei quali è prevista	

*(i titoli privi di attestato di equipollenza al dottorato di ricerca potranno essere valutati collocandoli tra altre tipologie di titoli)

Publicazioni presentate dal candidato e valutate:
Leon-Novelo L, Gerken AR, Graze RM, McIntyre LM, Marroni F. Direct Testing for Allele-Specific Expression Differences Between Conditions. <i>G3: Genes, Genomes, Genetics</i> 2017 doi: 10.1534/g3.117.300139
Marroni F, Scaglione D, Pinosio S, Policriti A, Miculan M, Di Gaspero G, Morgante M. Reduction of heterozygosity (ROH) as a method to detect mosaic structural variation. <i>Plant Biotechnol J.</i> 2017 Jan 5. doi: 10.1111/pbi.12691
Pinosio S, Giacomello S, Faivre-Rampant P, Taylor G, Jorge V, Le Paslier MC, Zaina G, Bastien C, Cattonaro F, Marroni F, Morgante M. Characterization of the Poplar Pan-Genome by Genome-Wide Identification of Structural Variation. <i>Mol Biol Evol.</i> 2016 Oct;33(10):2706-19. doi: 10.1093/molbev/msw161
Pinosio S, González-Martínez SC, Bagnoli F, Cattonaro F, Grivet D, Marroni F, Lorenzo Z, Pausas JG, Verdú M, Vendramin GG. First insights into the transcriptome and development of new genomic tools of a widespread circum-Mediterranean tree species, <i>Pinus halepensis</i> Mill. <i>Mol Ecol Resour.</i> 2014 Jan 22. doi: 10.1111/1755-0998.12232.
Marroni F, Pinosio S, Morgante M. Structural variation and genome complexity: is dispensable really dispensable? <i>Curr Opin Plant Biol.</i> 18 (2014), 31-36.

International Peach Genome Initiative, Verde I, Abbott AG, Scalabrin S, Jung S, Shu S, Marroni F, Zhebentyayeva T, Dettori MT, Grimwood J, Cattonaro F, Zuccolo A, Rossini L, Jenkins J, Vendramin E, Meisel LA, Decroocq V, Sosinski B, Prochnik S, Mitros T, Policriti A, Cipriani G, Dondini L, Ficklin S, Goodstein DM, Xuan P, Del Fabbro C, Aramini V, Copetti D, Gonzalez S, Horner DS, Falchi R, Lucas S, Mica E, Maldonado J, Lazzari B, Bielenberg D, Pirona R, Miculan M, Barakat A, Testolin R, Stella A, Tartarini S, Tonutti P, Arús P, Orellana A, Wells C, Main D, Vizzotto G, Silva H, Salamini F, Schmutz J, Morgante M, Rokhsar DS. The high-quality draft genome of peach (<i>Prunus persica</i>) identifies unique patterns of genetic diversity, domestication and genome evolution. <i>Nat Genet.</i> 2013 May;45(5):487-94.
Marroni F, Pinosio S, Di Centa E, Jurman I, Boerjan W, Felice N, Cattonaro F, Morgante M. Large-scale detection of rare variants via pooled multiplexed next-generation sequencing: towards next-generation Ecotilling. <i>Plant J.</i> 2011 Aug;67(4):736-45.
Marroni F, Pinosio S, Zaina G, Fogolari F, Felice N, Cattonaro F, Morgante M. Nucleotide diversity and linkage disequilibrium in <i>Populus nigra</i> cinnamyl alcohol dehydrogenase (CAD4) gene. <i>Tree Genetics and Genomes.</i> 2011, 7(5): 1011-23.
Teslovich TM et al. Biological, clinical and population relevance of 95 loci for blood lipids. <i>Nature.</i> 2010 Aug 5;466(7307):707-13.
Marroni F, Pfeufer A, Aulchenko YS, Franklin CS, Isaacs A, Pichler I, Wild SH, Oostra BA, Wright AF, Campbell H, Witteman JC, Kääb S, Hicks AA, Gyllensten U, Rudan I, Meitinger T, Pattaro C, van Duijn CM, Wilson JF, Pramstaller PP, on behalf of the EUROSPAN Consortium. A Genome-Wide Association Scan of RR and QT Interval Duration in 3 European Genetically Isolated Populations: The EUROSPAN Project. <i>Circ Cardiovasc Genet.</i> 2009 Aug; 2: 322 - 328.
Pattaro C, Aulchenko YS, Isaacs A, Vitart V, Hayward C, Franklin CS, Polasek O, Kolcic I, Biloglav Z, Campbell S, Hastie N, Lauc G, Meitinger T, Oostra BA, Gyllensten U, Wilson JF, Pichler I, Hicks AA, Campbell H, Wright AF, Rudan I, van Duijn CM, Riegler P, Marroni F, Pramstaller PP; EUROSPAN Consortium. Genome-wide linkage analysis of serum creatinine in three isolated European populations. <i>Kidney Int.</i> 2009 Aug;76(3):297-306.
Johansson A, Marroni F, Hayward C, Franklin CS, Kirichenko AV, Jonasson I, Hicks AA, Vitart V, Isaacs A, Axenovich T, Campbell S, Floyd J, Hastie N, Knott S, Lauc G, Pichler I, Rotim K, Wild SH, Zorkoltseva IV, Wilson JF, Rudan I, Campbell H, Pattaro C, Pramstaller P, Oostra BA, Wright AF, van Duijn CM, Aulchenko YS, Gyllensten U; for the EUROSPAN Consortium. Linkage and Genome-wide Association Analysis of Obesity-related Phenotypes: Association of Weight With the MGAT1 Gene. <i>Obesity (Silver Spring).</i> 2010 Apr;18(4):803-8.
Johansson A, Marroni F, Hayward C, Franklin CS, Kirichenko AV, Jonasson I, Hicks AA, Vitart V, Isaacs A, Axenovich T, Campbell S, Dunlop MG, Floyd J, Hastie N, Hofman A, Knott S, Kolcic I, Pichler I, Polasek O, Rivadeneira F, Tenesa A, Uitterlinden AG, Wild SH, Zorkoltseva IV, Meitinger T, Wilson JF, Rudan I, Campbell H, Pattaro C, Pramstaller P, Oostra BA, Wright AF, van Duijn CM, Aulchenko YS, Gyllensten U; EUROSPAN Consortium.: Common variants in the JAZF1 gene associated with height identified by linkage and genome-wide association analysis. <i>Hum Mol Genet.</i> 2009 Jan 15;18(2):373-80.
Marroni F, Grazio D, Pattaro C, Devoto M, Pramstaller P. Estimates of Genetic and Environmental Contribution to 43 Quantitative Traits Support Sharing of a Homogeneous Environment in an Isolated Population from South Tyrol, Italy. <i>Hum Hered.</i> 2008;65(3):175-182.
Marroni F, Pastrello C, Benatti P, Torrini M, Barana D, Lucci Cordisco D, Viel A, Mareni C, Oliani C, Genuardi M, Bailey-Wilson JE, Ponz De Leon M, Presciuttini S: A genetic model for determining MSH2 and MLH1 carrier probabilities based on family history and tumor microsatellite instability. <i>Clinical Genetics</i> 2006 69(3):254-62.
Pichler I, Marroni F, Beu Volpato C, Gusella JF, Kleine C, Casari G, De Grandi A, Pramstaller PP: Linkage Analysis Identifies a Novel Locus for Restless Legs Syndrome on Chromosome 2q in a South Tyrolean Population Isolate. <i>American Journal of Human Genetics</i> 2006 79(4):716-23.
Marroni F, Aretini P, D'Andrea E, Caligo MA, Cortesi L, Viel A, Ricevuto E, Montagna M, Cipollini G, Federico M, Santarosa M, Marchetti P, Bailey-Wilson JE, Bevilacqua G, Parmigiani G and Presciuttini S: Penetrances of breast and ovarian cancer in a large series of families tested for BRCA1/2 mutations. <i>European Journal of Human Genetics</i> 2004;12(11):899-906.
Marroni F, Aretini P, D'Andrea E, Caligo MA, Cortesi L, Viel A, Ricevuto E, Montagna M, Cipollini G, Ferrari S, Santarosa M, Bisegna R, Bailey-Wilson JE, Bevilacqua G, Parmigiani G, Presciuttini S: Evaluation of widely used models for predicting BRCA1 and BRCA2 mutations. <i>Journal of Medical Genetics</i> 2004;41(4):278-85.

Giudizio collegiale:

La commissione esprime il seguente giudizio analitico sui titoli, sul curriculum e sulla produzione scientifica del candidato:

Il candidato ha avuto un'interessante attività di ricerca con un periodo trascorso all'estero. Nell'ambito di tale attività ha avuto modo di occuparsi di diversi aspetti della genetica riguardanti sia la genetica di popolazione che l'analisi dei genomi di uomo, animali e piante. Ha svolto una notevole attività didattica, ha collaborato a numerosi progetti di ricerca europei acquisendo visibilità nazionale ed internazionale ed autonomia di ricerca come anche dimostrato dagli inviti a seminari e convegni. La produzione scientifica è considerevole, continua e di ottimo livello come anche attestato dagli indici bibliometrici che mostrano un numero totale di citazioni pari a 4587 e un H index pari a 23 (Web of Science).



ALLEGATO B al Verbale 2
Valutazione comparativa

Candidato: Marroni Fabio

Giudizio comparativo: La commissione all'unanimità valuta il candidato Marroni Fabio ampiamente meritevole e maturo per l'ammissione alla prova orale.

24 gennaio 2019

Prof. Rodolfo Costa
Prof. Chiara Tonelli
Prof. Michele Morgante

Presidente
Componente
Segretario



ALLEGATO A al Verbale 3
Punteggi

- **Candidato:** Marroni Fabio

Titoli	punti	43
Publicazioni (riportare gli estremi di ciascuna pubblicazione valutata)		
Leon-Novelo L, Gerken AR, Graze RM, McIntyre LM, Marroni F. Direct Testing for Allele-Specific Expression Differences Between Conditions. <i>G3: Genes, Genomes, Genetics</i> 2017 doi: 10.1534/g3.117.300139	punti	2,8
Marroni F, Scaglione D, Pinosio S, Policriti A, Miculan M, Di Gaspero G, Morgante M. Reduction of heterozygosity (ROH) as a method to detect mosaic structural variation. <i>Plant Biotechnol J.</i> 2017 Jan 5. doi: 10.1111/pbi.12691	punti	2,8
Pinosio S, Giacomello S, Faivre-Rampant P, Taylor G, Jorge V, Le Paslier MC, Zaina G, Bastien C, Cattonaro F, Marroni F, Morgante M. Characterization of the Poplar Pan-Genome by Genome-Wide Identification of Structural Variation. <i>Mol Biol Evol.</i> 2016 Oct;33(10):2706-19. doi: 10.1093/molbev/msw161	punti	2,8
Pinosio S, González-Martínez SC, Bagnoli F, Cattonaro F, Grivet D, Marroni F, Lorenzo Z, Pausas JG, Verdú M, Vendramin GG. First insights into the transcriptome and development of new genomic tools of a widespread circum-Mediterranean tree species, <i>Pinus halepensis</i> Mill. <i>Mol. Ecol. Resour.</i> 2014 Jan 22. doi: 10.1111/1755-0998.12232.	punti	1,4
Marroni F, Pinosio S, Morgante M. Structural variation and genome complexity: is dispensable really dispensable? <i>Curr Opin Plant Biol.</i> 18 (2014), 31-36.	punti	2,8
International Peach Genome Initiative, Verde I, Abbott AG, Scalabrin S, Jung S, Shu S, Marroni F, Zhebentyayeva T, Dettori MT, Grimwood J, Cattonaro F, Zuccolo A, Rossini L, Jenkins J, Vendramin E, Meisel LA, Decroocq V, Sosinski B, Prochnik S, Mitros T, Policriti A, Cipriani G, Dondini L, Ficklin S, Goodstein DM, Xuan P, Del Fabbro C, Aramini V, Copetti D, Gonzalez S, Horner DS, Falchi R, Lucas S, Mica E, Maldonado J, Lazzari B, Bielenberg D, Pirona R, Miculan M, Barakat A, Testolin R, Stella A, Tartarini S, Tonutti P, Arús P, Orellana A, Wells C, Main D, Vizzotto G, Silva H, Salamini F, Schmutz J, Morgante M, Rokhsar DS. The high-quality draft genome of peach (<i>Prunus persica</i>) identifies unique patterns of genetic diversity, domestication and genome evolution. <i>Nat Genet.</i> 2013 May;45(5):487-94.	punti	1,4
Marroni F, Pinosio S, Di Centa E, Jurman I, Boerjan W, Felice N, Cattonaro F, Morgante M. Large-scale detection of rare variants via pooled multiplexed next-generation sequencing: towards next-generation Ecotilling. <i>Plant J.</i> 2011 Aug;67(4):736-45.	punti	2,8
Marroni F, Pinosio S, Zaina G, Fogolari F, Felice N, Cattonaro F, Morgante M. Nucleotide diversity and linkage disequilibrium in <i>Populus nigra</i> cinnamyl alcohol dehydrogenase (CAD4) gene. <i>Tree Genetics and Genomes</i> , 2011, 7(5): 1011-23.	punti	2,8
Teslovich TM et al. Biological, clinical and population relevance of 95 loci for blood lipids. <i>Nature</i> , 2010 Aug 5;466(7307):707-13.	punti	1,4
Marroni F, Pfeufer A, Aulchenko YS, Franklin CS, Isaacs A, Pichler I, Wild SH, Oostra BA, Wright AF, Campbell H, Witteman JC, Käb S, Hicks AA, Gyllensten U, Rudan I, Meitinger T, Pattaro C, van Duijn CM, Wilson JF, Pramstaller PP, on behalf of the EUROSPAN Consortium. A Genome-Wide Association Scan of RR and QT Interval Duration in 3 European Genetically Isolated Populations: The EUROSPAN Project. <i>Circ Cardiovasc Genet</i> , 2009 Aug; 2: 322 - 328.	punti	2,8
Pattaro C, Aulchenko YS, Isaacs A, Vitart V, Hayward C, Franklin CS, Polasek O, Kolcic I, Biloglav Z, Campbell S, Hastie N, Lauc G, Meitinger T, Oostra BA, Gyllensten U, Wilson JF, Pichler I, Hicks AA, Campbell H, Wright AF, Rudan I, van Duijn CM, Riegler P, Marroni F, Pramstaller PP; EUROSPAN Consortium. Genome-wide linkage analysis of serum creatinine in three isolated European populations. <i>Kidney Int.</i> 2009 Aug;76(3):297-306.	punti	1,4
Johansson A, Marroni F, Hayward C, Franklin CS, Kirichenko AV, Jonasson I, Hicks AA, Vitart V, Isaacs A, Axenovich T, Campbell S, Floyd J, Hastie N, Knott S, Lauc G, Pichler I, Rotim K, Wild SH, Zorkoltseva IV, Wilson JF, Rudan I, Campbell H, Pattaro C, Pramstaller P, Oostra BA, Wright AF, van Duijn CM, Aulchenko YS, Gyllensten U; for the EUROSPAN Consortium. Linkage and Genome-wide Association Analysis of Obesity-related Phenotypes: Association of Weight With the MGAT1 Gene. <i>Obesity (Silver Spring)</i> . 2010 Apr;18(4):803-8.	punti	1,4
Johansson A, Marroni F, Hayward C, Franklin CS, Kirichenko AV, Jonasson I, Hicks AA, Vitart V, Isaacs A, Axenovich T, Campbell S, Dunlop MG, Floyd J, Hastie N, Hofman A, Knott S, Kolcic I, Pichler I, Polasek O, Rivadeneira F, Tenesa A, Uitterlinden AG, Wild SH, Zorkoltseva IV, Meitinger T, Wilson JF, Rudan I, Campbell H, Pattaro C, Pramstaller P, Oostra BA, Wright AF, van Duijn CM, Aulchenko YS, Gyllensten U; EUROSPAN Consortium.: Common variants in the JAZF1 gene associated with height identified by linkage and genome-wide association analysis. <i>Hum Mol Genet.</i> 2009 Jan 15;18(2):373-80.	punti	1,4
Marroni F, Grazio D, Pattaro C, Devoto M, Pramstaller P. Estimates of Genetic and Environmental Contribution to 43 Quantitative Traits Support Sharing of a Homogeneous Environment in an Isolated Population from South Tyrol, Italy. <i>Hum Hered.</i> 2008;65(3):175-182.	punti	2,8
Marroni F, Pastrello C, Benatti P, Torrini M, Barana D, Lucci Cordisco D, Viel A, Mareni C, Oliani C, Genuardi M, Bailey-Wilson JE, Ponz De Leon M, Presciuttini S: A genetic model for determining MSH2 and MLH1 carrier probabilities based on family history and tumor microsatellite instability. <i>Clinical Genetics</i> 2006 69(3):254-62.	punti	2,8
Pichler I, Marroni F, Beu Volpato C, Gusella JF, Kleine C, Casari G, De Grandi A, Pramstaller PP: Linkage Analysis Identifies a Novel Locus for Restless Legs Syndrome on Chromosome 2q in a South Tyrolean	punti	1,4

Al - M07 CT

Population Isolate. American Journal of Human Genetics 2006 79(4):716-23.		
Marroni F, Aretini P, D'Andrea E, Caligo MA, Cortesi L, Viel A, Ricevuto E, Montagna M, Cipollini G, Federico M, Santarosa M, Marchetti P, Bailey-Wilson JE, Bevilacqua G, Parmigiani G and Presciuttini S: Penetrances of breast and ovarian cancer in a large series of families tested for BRCA1/2 mutations. European Journal of Human Genetics 2004;12(11):899-906.	punti	2,8
Marroni F, Aretini P, D'Andrea E, Caligo MA, Cortesi L, Viel A, Ricevuto E, Montagna M, Cipollini G, Ferrari S, Santarosa M, Bisegna R, Bailey-Wilson JE, Bevilacqua G, Parmigiani G, Presciuttini S: Evaluation of widely used models for predicting BRCA1 and BRCA2 mutations. Journal of Medical Genetics 2004;41(4):278-85.	punti	2,8
Adeguata conoscenza lingua straniera	SI	
TOTALE	PUNTI	83,6

Udine, 19 febbraio 2019

Prof. Rodolfo Costa

Presidente

Prof. Chiara Tonelli

Componente

Prof. Michele Morgante

Segretario