

Curriculum Vitae Europass

Informazioni personali

Cognome/i nome/i

Indirizzo/i

Telefono/i

Fax

Email

Nazionalità

Data di nascita

Home Page

Vitacolonna Nicola

via delle Scienze 206
I-33100 Udine, IT

+39 0432 55 87 21

+39 0432 55 84 99

nicola.vitacolonna@uniud.it

Italiana

8 febbraio 1975

<http://sole.dimi.uniud.it/~nicola.vitacolonna/>

Esperienza professionale

Attività scientifica

Date

Tipo di impiego

Nome e indirizzo del datore di
lavoro

Dal 1° giugno 2010.

Ricercatore confermato.

Università degli Studi di Udine, IT.

Date

Tipo di impiego

Nome e indirizzo del datore di
lavoro

Dal 1° giugno 2007.

Ricercatore non confermato.

Università degli Studi di Udine, IT.

Date

Tipo di impiego

Principali mansioni e responsabilità

Nome e indirizzo del datore di
lavoro

gennaio 2007–maggio 2007.

Titolare di un **assegno di ricerca** nell'ambito del progetto VIGNE/VIGNA per il *sequenziamento del genoma della vite (Vitis vinifera)* dell'Istituto di Genomica Applicata (<http://www.appliedgenomics.org/>).

Gestione del sistema informativo dell'istituto e sviluppo di tool per l'annotazione automatica di sequenze retrotrasponibili.

Dipartimento di Scienze Agrarie ed Ambientali, Università degli Studi di Udine, IT.

Date

Tipo di impiego

Principali mansioni e responsabilità

Nome e indirizzo del datore di
lavoro

gennaio 2005–dicembre 2006.

Titolare di un **assegno di ricerca** nell'ambito del progetto europeo *Popyomics* (<http://www.soton.ac.uk/~popyomic/>), e del progetto di *sequenziamento del genoma della vite (Vitis vinifera)* dell'Istituto di Genomica Applicata (<http://www.appliedgenomics.org/>).

Nell'ambito di *Popyomics*: Responsabile degli aspetti informatici relativi all'analisi e al confronto delle mappe genetiche di diverse specie di pioppo. Nell'Istituto di Genomica Applicata: gestione del sistema informativo dell'istituto.

Dipartimento di Scienze Agrarie ed Ambientali, Università degli Studi di Udine, IT.

Date

Tipo di impiego

aprile 2003–ottobre 2004.

Titolare di una **borsa di studio** nell'ambito del Progetto Regionale D4 - Misura B1 *Miglioramento delle risorse umane nel settore della ricerca e sviluppo tecnologico*.

Principali mansioni e responsabilità	Sviluppo di un progetto intitolato <i>Metodi algoritmici e combinatori per il confronto di sequenze biologiche</i> .
Nome e indirizzo del datore di lavoro	Progetto attuato dalla Regione Friuli Venezia Giulia.
Date	ottobre 2001–marzo 2003.
Tipo di impiego	Titolare di una borsa di studio finanziata dal MURST.
Principali mansioni e responsabilità	Corso di dottorato in Informatica.
Nome e indirizzo del datore di lavoro	Università degli Studi di Udine.
Interessi di ricerca	<p>Basi di Dati</p> <ul style="list-style-type: none"> ▪ Progettazione e trasformazione di schemi in basi di dati relazionali. <p>Bioinformatica</p> <ul style="list-style-type: none"> ▪ Algoritmi per l'analisi di sequenze biologiche, in particolare sequenze ripetute ed elementi retrotrasponibili. ▪ Algoritmi per l'assemblaggio di genomi. ▪ Basi di dati, design pattern e servizi web per la biologia. <p>Logica</p> <ul style="list-style-type: none"> ▪ Logiche temporali a intervalli: metodi di decidibilità, algoritmi, applicazioni ▪ Teoria dei giochi logici (o di Ehrenfeucht-Fraïssé): analisi combinatoria e di complessità, algoritmi.
Attività di revisione	Ho svolto attività di recensione per riviste e congressi di rilievo internazionale, tra cui: <i>Theoretical Computer Science</i> , <i>Logical Methods in Computer Science</i> , <i>Discrete Applied Mathematics on Computational Biology</i> , HSCC, IWBBIO, JELIA, RECOMB, IEEE BIBM, IWLS.
Didattica	
Date	Dal 2010.
Tipo di impiego	Docente del corso di Complementi di Basi di dati , corso di laurea magistrale in Informatica e corso di laurea magistrale in Comunicazione Multimediale e Tecnologie dell'Informazione.
Principali mansioni e responsabilità	Titolare del corso.
Nome e indirizzo del datore di lavoro	Facoltà di Scienze MM.FF.NN., Università degli Studi di Udine, IT.
Date	2006–2011.
Tipo di impiego	Docente dei corsi di Basi di dati , Informatica Applicata e Bioinformatica , corso di laurea triennale in Biotecnologie.
Principali mansioni e responsabilità	Titolare del corso.
Nome e indirizzo del datore di lavoro	Facoltà di Scienze MM.FF.NN., Università degli Studi di Udine, IT.

Date	2002–2005
Tipo di impiego	Docente a contratto del corso di Basi di dati , corso di laurea triennale in Biotecnologie.
Principali mansioni e responsabilità	Titolare del corso.
Nome e indirizzo del datore di lavoro	Facoltà di Scienze MM.FF.NN., Università degli Studi di Udine, IT.
Date	2002–2009.
Tipo di impiego	Docente a contratto del corso di Informatica Applicata , corso di laurea triennale in Biotecnologie.
Principali mansioni e responsabilità	Titolare del corso.
Nome e indirizzo del datore di lavoro	Facoltà di Scienze MM.FF.NN., Università degli Studi di Udine, IT.
Date	2004–2007
Tipo di impiego	Docente a contratto del corso di Basi di dati , corso di laurea triennale in Informatica.
Principali mansioni e responsabilità	Titolare del corso.
Nome e indirizzo del datore di lavoro	Facoltà di Scienze MM.FF.NN., Università degli Studi di Trieste, IT.

Istruzione e formazione

Date	2001–2005.
Titolo della qualifica rilasciata	Dottorato in Informatica.
Nome e tipo di istituto d'istruzione o formazione	Università degli Studi di Udine, IT.
Principali materie/abilità professionali oggetto dello studio	Corso di Dottorato in Informatica. Titolo della tesi: <i>Intervals: Logics, Algorithms and Games</i>
Date	1995–2001.
Titolo della qualifica rilasciata	Laurea in Informatica. votazione 110/110 e lode.
Nome e tipo di istituto d'istruzione o formazione	Università degli Studi di Udine, IT.
Principali materie/abilità professionali oggetto dello studio	Corso di laurea in Informatica. Titolo della tesi: <i>Granularità e logiche a intervalli: risultati di decidibilità.</i>

Capacità e competenze professionali

Madrelingua/e

Altre lingue

*Autovalutazione
Livello europeo^(*)*

Inglese

Spagnolo

Francese

Italiano

Comprensione				Parlato				Scritto	
Ascolto		Lettura		Interazione		Produzione orale			
C2	Livello avanzato	C2	Livello avanzato	C1	Livello avanzato	C1	Livello avanzato	C2	Livello avanzato
C2	Livello avanzato	C2	Livello avanzato	C2	Livello avanzato	C1	Livello avanzato	C2	Livello avanzato
B1	Livello intermedio	B1	Livello intermedio	A1	Livello elementare	A1	Livello elementare	A1	Livello elementare

^(*) Quadro comune europeo di riferimento per le lingue

Capacità e competenze organizzative

Membro del comitato organizzatore della *Sixth International School on Biology, Computation and Information (BCI 2010)*, 20–24 settembre 2010, Dobbiaco (BZ).

Membro del comitato organizzatore dell'*Annual Workshop of the ESF Networking Programme on Games for Design and Verification (GAMES 2009)*, 14–17 settembre 2009, Udine, <http://games2009.dimi.uniud.it/>.

Membro del comitato organizzatore della *Tenth Annual International Conference on Research in Computational Molecular Biology (RECOMB 2006)*, 2–5 aprile 2006, Venezia, <http://recomb06.dei.unipd.it/>.

Membro del comitato organizzatore della *Second International School on Biology, Computation and Information (BCI 2005)*, 12–16 settembre 2005, Dobbiaco (BZ).

Membro del comitato organizzatore della *First International School on Biology, Computation and Information (BCI 2004)*, 19–25 settembre 2004, Dobbiaco (BZ).

Membro del comitato organizzatore del *Workshop on Genomes: Information, Structure, and Complexity (GISC 2004)*, 25 settembre 2004, Dobbiaco (BZ).

Gestore del portale del Laboratorio di Bioinformatica dell'Università di Udine.

Capacità e competenze tecniche

Ho una conoscenza approfondita dei sistemi di gestione di basi di dati open-source PostgreSQL e MySQL. In passato ho usato il DBMS Oracle.

Ho esperienza di sviluppo di sistemi informativi per la gestione di dati genetici, per il sequenziamento di genomi e per l'analisi di marcatori genetici.

Principali linguaggi di programmazione e di mark-up conosciuti: C, C++, Java, Perl, Ruby, JavaScript, Objective-C, PHP, Prolog, SQL, ML, Scheme, (X)HTML, XML, CSS, \LaTeX , ConTeXt.

Conoscenza di strumenti software per la bioinformatica, tra cui BLAST, FASTA, ClustalW, RepeatMasker, Apollo Genome Browser, CMap, HMMER.

Nel 2003–2004 ho sviluppato un tool software, chiamato *SMaRTFinder*, per la ricerca approssimata di motivi strutturati in sequenze biologiche.

Nel 1999, nell'ambito del progetto *Socrates* presso la Universidad Politécnica de Valencia, ho sviluppato un'interfaccia utente in Java per *Synth* (<http://www.info-ab.uclm.es/personal/gmoreno/synthpage.htm>), un sistema di trasformazione per programmi logico-funzionali basato su *needed narrowing* e scritto in SICStus Prolog.

Privacy

Autorizzo il trattamento dei dati personali contenuti nel mio curriculum vitae in base all'art. 13 del D. Lgs. 196/2003.

Nicola Vitacolonna