



Catia Mio

ESPERIENZA LAVORATIVA

**Ricercatrice L.240/10 in Genetica Medica (MED/03) presso il Dipartimento di Area Medica (DAME)
Università degli Studi di Udine** [03/10/2022 – Attuale]

**Assegnista di Ricerca presso il Dipartimento di Area Medica
Prof. Giuseppe Damante** [16/12/2019 – 01/10/2022]

Città: Udine

Titolo: NGS analysis of germline mutations in monogenic diseases and somatic mutations in neoplastic tissues.

Tecniche: Estrazione acidi nucleici, qPCR, Sanger sequencing, NGS workflow e analisi, droplet digital PCR, methylation specific droplet digital PCR.

**Assegnista di Ricerca presso il Dipartimento di Area Medica - Istituto di Genetica Medica
Prof. Giuseppe Damante** [01/07/2018 – 30/06/2019]

Indirizzo: Udine (Italia)

Titolo: Analysis of human pathology by next generation and conventional sequencing approaches.

Tecniche: Estrazione acidi nucleici, qPCR, Sanger sequencing, NGS workflow e analisi, droplet digital PCR, methylation specific droplet digital PCR.

**Assegnista di Ricerca presso il Dipartimento di Area Medica - Istituto di Genetica Medica
Prof. Giuseppe Damante** [01/06/2017 – 31/05/2018]

Indirizzo: Udine (Italia)

Titolo: Innovative therapy for aggressive tumours of the head and neck region.

Tecniche: Saggi di vitalità e apoptosi su linee cellulari, Estrazione acidi nucleici e proteine, Western Blot, CHIP, qPCR, Silenziamento genico tramite RNA interference, Trasformazione batterica, Over-espressione tramite vettori di espressione, Esperimenti di rescue, Valutazione dell'espressione di RNA (analisi di RNA-seq).

**Dottoranda presso il Dipartimento di Scienze mediche e biologiche
Prof.ssa Carla Di Loreto; Prof. Giuseppe Damante** [01/01/2014 – 31/12/2016]

Indirizzo: Udine (Italia)

Titolo: Analysis of the biological mechanisms de-regulated after pharmacological BET inhibition in a model of anaplastic thyroid cancer

Tecniche: Saggi di vitalità e apoptosi su linee cellulari, Estrazione acidi nucleici e proteine, Western Blot, CHIP, IHC, qPCR, Silenziamento genico tramite RNA interference, Trasformazione batterica, Over-espressione tramite vettori di espressione, Esperimenti di rescue, Valutazione dell'espressione di RNA (analisi di RNA-seq), Valutazione dell'espressione di microRNA (analisi di miRNA-seq).

Tirocinante presso il Dipartimento di Scienze mediche e biologiche

Prof. Giuseppe Damante [2013 – 2013]

Indirizzo: Udine (Italia)

Titolo: Effetti cooperativi dell'inibizione di HDAC e PARP in linee di carcinoma mammario.

Tecniche: Saggi di vitalità e apoptosi su linee cellulari, Estrazione acidi nucleici e proteine, Western Blot, ChIP, IHC, qPCR.

Tirocinante presso l'ex Facoltà di Scienze Matematiche, Fisiche e Naturali

Prof. Roberto Marzari [2010 – 2010]

Indirizzo: Trieste (Italia)

Titolo: Strategie di clonaggio di peptidi espressi come proteine di fusione.

Tecniche: Estrazione DNA plasmidico, Elettroforesi di acidi nucleici e proteine, PCR, Preparazione di cellule batteriche competenti, Trasformazione batterica, Produzione di fagi, Phage ELISA, Produzione e purificazione di proteine in GST-tag.

ISTRUZIONE E FORMAZIONE

Dottorato di Ricerca in Medicina Cellulare e Molecolare

Università degli Studi di Udine [01/01/2014 – 31/12/2016]

Indirizzo: Udine (Italia)

Livello EQF: Livello 8 EQF

Conseguimento titolo in data 29/03/2017

Conoscenze di base:

- Lingua inglese
- Programmi di statistica di base
- Programmi di analisi di immagine

Conoscenze professionali:

- Biologia molecolare (qPCR, ddPCR, HRM, ChIP, RIP, WB)
- Colture cellulari
- Colture batteriche
- Esperimenti in vivo (Danio Rerio, Mus Musculus)
- Analisi di spettri di sequenziamento Sanger, RNA-seq, microRNA-seq

Campi di ricerca :

- Epigenetica
- Genetica medica
- Cancro

Erasmus Plus student

IGMM Medical Research Council [01/04/2016 – 30/09/2016]

Indirizzo: Edimburgo (Regno Unito)

Livello EQF: Livello 8 EQF

Tramite l'utilizzo di una tecnica di transgenesi di costrutti in doppia fluorescenza all'interno di embrioni di Danio Rerio è stato possibile valutare in ruolo di diversi SNPs all'interno delle regioni regolatorie del gene PAX6 nel generare Aniridia, rara malattia oculare. Sono stati screenati 23 pazienti provenienti da diversi centri alla ricerca di mutazioni all'interno di regioni regolatorie. Le mutazioni sono state ingegnerizzate in Danio Rerio per valutare il pattern di espressione differenziale di PAX6 e successivamente nel contesto del locus genico murino.

Tecniche:

- PCR
- Analisi spettri di sequenziamento Sanger
- Colture batteriche e trasformazione
- Creazione di vettori di espressione per l'utilizzo in vivo
- Coltura e breeding di esemplari di Danio Rerio
- Microiniezioni in embrioni di Danio Rerio
- Microscopia a fluorescenza
- Estrazione di embrioni di topo a diversi stadi di embriogenesi da utero murino
- Staining di embrioni di topo
- Genotipizzazione

Laurea magistrale in Biotecnologie Sanitarie

Università degli Studi di Udine [2011 – 2013]

Indirizzo: Udine (Italia)

Livello EQF: Livello 7 EQF

Conseguimento titolo in data 10/10/2013 con valutazione 108/110

Laurea triennale in Scienze Biologiche

Università degli Studi di Trieste [2007 – 2010]

Indirizzo: Trieste (Italia)

Livello EQF: Livello 6 EQF

Conseguimento titolo in data 15/10/2010 con valutazione 99/110

COMPETENZE LINGUISTICHE

Lingua madre: **italiano**

Altre lingue:

inglese

ASCOLTO B2 LETTURA B2 SCRITTURA B2

PRODUZIONE ORALE B2 INTERAZIONE ORALE B2

COMPETENZE DIGITALI

Padronanza del Pacchetto Office (Word Excel PowerPoint ecc) / Padronanza nell'utilizzo di GraphPad PRISM / Padronanza nell'utilizzo di Image J / Padronanza nell'utilizzo di Primer Express / Padronanza nell'utilizzo di CompuSyn / Padronanza nell'utilizzo di Mutation Surveyor / Padronanza nell'utilizzo di Coffalyser / Padronanza nell'utilizzo di Chromas / Padronanza nell'utilizzo di Ion Reporter / Padronanza nell'utilizzo di sequencing-based databases / Padronanza nell'utilizzo di Sophia DDM / Padronanza nell'utilizzo di eVai

PUBBLICAZIONI

Baldan F et al. 2015

10.1155/2015/978371

Baldan F, **Mio C**, Allegri L, Puppini C, Russo D, Filetti S, Damante G. Synergy between HDAC and PARP inhibitors on proliferation of a human anaplastic thyroid cancer-derived cell line. Int J Endocrinol 2015. doi: [10.1155/2015/978371](https://doi.org/10.1155/2015/978371).

Baldan F et al. 2015

10.3892/or.2015.3873.

Baldan F, **Mio C**, Lavarone E, Di Loreto C, Puglisi F, Damante G, Puppini C. Epigenetic bivalent marking is permissive to synergy of HDAC and PARP inhibitors on TXNIP expression in breast cancer cells. Oncol Rep 2015. doi: [10.3892/or.2015.3873](https://doi.org/10.3892/or.2015.3873).

Mio C et al. 2016

10.1530/ERC-15-0322.

Mio C, Lavarone E, Conzatti K, Baldan F, Toffoletto B, Puppini C, Filetti S, Durante C, Russo D, Orlacchio A, Di Cristofano A, Di Loreto C, Damante G. MCM5 as a target of BET inhibitors in thyroid cancer cells'. *Endocr Relat Cancer* 2016. doi: [10.1530/ERC-15-0322](https://doi.org/10.1530/ERC-15-0322).

Allegrini L et al. 2016

10.3892/or.2016.4614

Allegrini L, Baldan F, **Mio C**, Puppini C, Russo D, Kryštof V, Damante G. Effects of BP-14, a novel Cyclin-Dependent Kinases inhibitor, on anaplastic thyroid cancer cells'. *Oncol Rep* 2016. doi: [10.3892/or.2016.4614](https://doi.org/10.3892/or.2016.4614).

Baldan F et al. 2016

10.18632/oncotarget.11255

Baldan F, **Mio C**, Allegrini L, Conzatti K, Toffoletto B, Puppini C, Radovic S, Vascotto C, Russo D, Di Loreto C, Damante G. Identification of functional and interaction targets of the RNA-binding protein HuR in thyroid cell lines. *Oncotarget*. 2016. doi: [10.18632/oncotarget.11255](https://doi.org/10.18632/oncotarget.11255).

Rosignolo F et al. 2016

10.1371/journal.pone.0156658

Rosignolo F, Sponziello M, Durante C, Puppini C, **Mio C**, Baldan F, Di Loreto C, Russo D, Filetti S, Damante G. Expression of PAX8 target genes in papillary thyroid carcinoma. *PLoS One* 2016. doi: [10.1371/journal.pone.0156658](https://doi.org/10.1371/journal.pone.0156658).

Franzoni A et al. 2017

10.1177/1535370217724093.

Franzoni A, Markova-Car E, Dević-Pavličić S, Jurišić D, Puppini C, **Mio C**, De Luca M, Petruz G, Damante G, Pavelić SK. A polymorphic GGC repeat in the NPAS2 gene and its association with melanoma. *Exp Biol Med*. 2017 Sep. doi: [10.1177/1535370217724093](https://doi.org/10.1177/1535370217724093).

Celano M et al. 2017

10.1016/j.mce.2017.05.036.

Celano M, **Mio C**, Sponziello M, Verrienti A, Bulotta S, Durante C, Damante G, Russo D. Targeting post-translational histone modifications for the treatment of non-medullary thyroid cancer. *Mol Cell Endocrinol*. 2017. doi:10.1016/j.mce.2017.05.036.

Baldan F et al. 2017

10.23736/S0391-1977.17.02735-3.

Baldan F, **Mio C**, Allegrini L, Passon N, Lepore SM, Russo D, Damante G. Evaluation of somatic genomic imbalances in thyroid carcinomas of follicular origin by CGH-based approaches. *Minerva Endocrinol*. 2017. doi: [10.23736/S0391-1977.17.02735-3](https://doi.org/10.23736/S0391-1977.17.02735-3).

Allegrini L et al. 2017

10.1007/s00432-017-2555-7.

Allegrini L, Rosignolo F, **Mio C**, Filetti S, Baldan F, Damante G. Effects of nutraceuticals on anaplastic thyroid cancer cells. *J Cancer Res Clin Oncol*. 2017. doi: [10.1007/s00432-017-2555-7](https://doi.org/10.1007/s00432-017-2555-7).

Mio C et al. 2018

10.3892/or.2017.6152

Mio C, Conzatti K, Baldan F, Allegrini L, Sponziello M, Rosignolo F, Russo D, Filetti S, Damante G. BET bromodomain inhibitor JQ1 modulates micro RNA expression in thyroid cancer cells. *Oncol Rep*. 2018. doi: [10.3892/or.2017.6152](https://doi.org/10.3892/or.2017.6152)

Allegrini L et al. 2018

10.3892/ol.2017.7289.

Allegrì L, **Mio C**, Russo D, Filetti S, Baldan F. Effects of HuR downregulation on anaplastic thyroid cancer cells. *Oncol Lett.* 2018. doi: [10.3892/ol.2017.7289](https://doi.org/10.3892/ol.2017.7289).

Mio C et al. 2019

10.1002/ijc.31898.

Mio C, Gerratana L, Bolis M, Caponnetto F, Zanello A, Barbina M, Di Loreto C, Garattini E, Damante G, Puglisi F. BET proteins regulate homologous recombination-mediated DNA repair: BRCAness and implications for cancer therapy. *Int J Cancer.* 2019- doi: [10.1002/ijc.31898](https://doi.org/10.1002/ijc.31898).

Baldan F et al. 2019

10.1111/jop.12824.

Baldan F, Allegrì L, Lazarevic M, **Mio C**, Milosevic M, Damante G, Milasin J. Biological and molecular effects of bromodomain and extra-terminal (BET) inhibitors JQ1, IBET-151, and IBET-762 in OSCC cells. *J Oral Pathol Med.* 2019. doi: [10.1111/jop.12824](https://doi.org/10.1111/jop.12824).

Mio C et al. 2019

10.3390/cancers11010061.

Mio C, Bulotta S, Russo D, Damante G. Reading Cancer: Chromatin Readers as Druggable Targets for Cancer Treatment. *Cancers (Basel)* 2019. doi: [10.3390/cancers11010061](https://doi.org/10.3390/cancers11010061).

Maggisano V et al. 2019

10.1007/s12020-018-01836-2.

Maggisano V, Celano M, Lepore SM, Sponziello M, Rosignolo F, Pecce V, Verrienti A, Baldan F, **Mio C**, Allegrì L, Maranghi M, Falcone R, Damante G, Russo D, Bulotta S. Human telomerase reverse transcriptase in papillary thyroid cancer: gene expression, effects of silencing and regulation by BET inhibitors in thyroid cancer cells. *Endocrine.* 2019 doi: [10.1007/s12020-018-01836-2](https://doi.org/10.1007/s12020-018-01836-2).

Codrich M et al. 2019

10.1016/j.dnarep.2019.102675

Codrich M, Comelli M, Malfatti MC, **Mio C**, Ayyildiz D, Zhang C, Kelley MR, Terrosu G, Pucillo CEM, Tell G. Inhibition of APE1-endonuclease activity affects cell metabolism in colon cancer cells via a p53-dependent pathway. *DNA Repair (Amst).* 2019 doi: [10.1016/j.dnarep.2019.102675](https://doi.org/10.1016/j.dnarep.2019.102675).

Maggisano V et al. 2019

10.3390/cancers12010091.

Maggisano V, Celano M, Malivindi R, Barone I, Cosco D, **Mio C**, Mignogna C, Panza S, Damante G, Fresta M, Andò S, Russo D, Catalano S, Bulotta S. Nanoparticles Loaded with the BET Inhibitor JQ1 Block the Growth of Triple Negative Breast Cancer Cells In Vitro and In Vivo. *Cancers (Basel).* 2019 doi: [10.3390/cancers12010091](https://doi.org/10.3390/cancers12010091).

Mio C et al. 2020

10.1111/cge.13627.

Mio C, Grani G, Durante C, Damante G. Molecular defects in thyroid dysgenesis. *Clin Genet.* 2020 doi: [10.1111/cge.13627](https://doi.org/10.1111/cge.13627).

Allegrì L et al. 2020

10.1016/j.ejmg.2020.103894.

Allegrì L, Baldan F, **Mio C**, De Felice M, Amendola E, Damante G. BAZ1B is a candidate gene responsible for hypothyroidism in Williams syndrome. *Eur J Med Genet.* 2020 doi: [10.1016/j.ejmg.2020.103894](https://doi.org/10.1016/j.ejmg.2020.103894).

Falcone R et al. 2020

10.1007/s12020-020-02221-8

Falcone R, Sponziello M, Carletti R, Di Gioia C, Nardi F, **Mio C**, Pecce V, Abballe L, Grani G, Ramundo V, Damante G, Durante C, Filetti M, Roberto M, Marchetti P, Verrienti A. Exploring the molecular insights of concurrent composite mucoepidermoid carcinoma and papillary thyroid carcinoma. *Endocrine.* 2020 doi: [10.1007/s12020-020-02221-8](https://doi.org/10.1007/s12020-020-02221-8).

Mio C et al. 2020

10.1016/j.ejmg.2020.103843.

Mio C, Passon N, Baldan F, Bregant E, Monaco E, Mancini L, Demori E, Damante G. CACNA1C haploinsufficiency accounts for the common features of interstitial 12p13.33 deletion carriers. *Eur J Med Genet.* 2020 doi: [10.1016/j.ejmg.2020.103843](https://doi.org/10.1016/j.ejmg.2020.103843).

Mio C et al. 2020

10.1002/mgg3.1278

Mio C, Fogolari F, Pezzoli L, D'Elia AV, Iacone M, Damante G. Missense NR2F1 variant in monozygotic twins affected with the Bosch-Boonstra-Schaaf optic atrophy syndrome. *Mol Genet Genomic Med.* 2020 doi: [10.1002/mgg3.1278](https://doi.org/10.1002/mgg3.1278)

Mio C et al. 2020

10.1155/2020/8869424

Mio C, Cifù A, Marzinotto S, Bergamin N, Caldana C, Cattarossi S, Cmet S, Cussigh A, Martinella R, Zucco J, Verardo R, Schneider C, Marcon B, Zampieri S, Pipan C, Curcio F. A Streamlined Approach to Rapidly Detect SARS-CoV-2 Infection Avoiding RNA Extraction: Workflow Validation. *Dis Markers* 2020. doi: 10.1155/2020/8869424.

Mio C et al. 2021

10.1155/2021/8890221.

Mio C, Cifù A, Marzinotto S, Marcon B, Pipan C, Damante G, Curcio F. Validation of a One-Step Reverse Transcription- Droplet Digital PCR (RT-ddPCR) Approach to Detect and Quantify SARS-CoV-2 RNA in Nasopharyngeal Swabs. *Dis Markers* 2021. doi: 10.1155/2021/8890221.

Mio C et al. 2021

10.1038/s41431-020-00753-1

Mio C, Allegri L, Passon N, Bregant E, Demori E, Franzoni A, Driul D, Riccio A, Damante G, Baldan F. A paternally inherited 1.4 kb deletion of the 11p15.5 imprinting center 2 is associated with a mild familial Silver-Russell syndrome phenotype. *Eur J Hum Genet* 2021. doi: 10.1038/s41431-020-00753-1.

Mio C et al. 2021

10.1007/s12020-021-02705-1

Mio C, Verrienti A, Pecce V, Sponziello M, Damante G. Rare germline variants in DNA repair-related genes are accountable for papillary thyroid cancer susceptibility. *Endocrine* 2021. doi: 10.1007/s12020-021-02705-1.

Fabbro D et al. 2021

10.1038/s10038-021-00941-x

Fabbro D, **Mio C**, Fogolari F, Damante G. A novel de novo NIPA1 missense mutation associated to hereditary spastic paraplegia. *J Hum Genet.* 2021. doi: 10.1038/s10038-021-00941-x.

Domenis R et al. 2021

10.3390/ijms22126258

Domenis R, Cifù A, **Mio C**, Fabris M, Curcio F. Pro-Inflammatory Microenvironment Modulates the Transfer of Mutated TP53 Mediated by Tumor Exosomes. *Int. J. Mol. Sci.* 2021. doi.org/10.3390/ijms22126258.

Codrich et al. 2021

doi: 10.1186/s13046-021-01986-8.

Codrich M, Dalla E, **Mio C**, Antoniali G, Malfatti MC, Marzinotto S, Pierobon M, Baldelli E, Di Loreto C, Damante G, Terrosu G, Pucillo CEM, Tell G. Integrated multi-omics analyses on patient-derived CRC organoids highlight altered molecular pathways in colorectal cancer progression involving PTEN. *J Exp Clin Cancer Res.* 2021. doi: 10.1186/s13046-021-01986-8.

Mio C et al. 2021

doi: 10.1002/mgg3.1612.

Mio C, Passon N, Fogolari F, Cesario C, Novelli A, Pittini C, Damante G. A novel de novo HDAC8 missense mutation causing Cornelia de Lange syndrome. *Mol Genet Genomic Med.* 2021. doi: 10.1002/mgg3.1612.

Mio C & Dal Secco C et al. 2021

doi: 10.1371/journal.pone.0261229.

Mio C, Dal Secco C, Marzinotto S, Bruno C, Pimpo S, Betto E, Bertoni M, Pipan C, Sozio E, Tascini C, Damante G, Curcio F. Local occurrence and fast spread of B.1.1.7 lineage: A glimpse into Friuli Venezia Giulia. *PLoS One* 2021. doi: 10.1371/journal.pone.0261229.

Mio C & Dal Secco C et al. 2021

doi: 10.1136/jclinpath-2021-207810.

Mio C, Dal Secco C, Marzinotto S, Pipan C, Sozio E, Tascini C, Damante G, Curcio F. Monitoring the SPREAD of the SARS-CoV-2 lineage B.1.621 in Udine, Italy. *J Clin Pathol.* 2021. doi: 10.1136/jclinpath-2021-207810.

Mio C and Damante G 2022

doi:10.1016/j.bbadis.2022.166390

Mio C and Damante G. Challenges in promoter methylation analysis in the new era of translational oncology: a focus on liquid biopsy. *Biochim Biophys Acta Mol Basis Dis.* 2022 doi:10.1016/j.bbadis.2022.166390

Maggisano V et al. 2022

doi: 10.3390/biomedicines10050961

Maggisano V, Capriglione F, Verrienti A, Celano M, Gagliardi A, Bulotta S, Sponziello M, Mio C, Pecce V, Durante C, Damante G, Russo D. Identification of Exosomal microRNAs and Their Targets in Papillary Thyroid Cancer Cells. *Biomedicines.* 2022. doi: 10.3390/biomedicines10050961.

Allegri L et al. 2022

doi: 10.3390/ijms231911516

Allegri L, Baldan F, Molteni E, Mio C, Damante G. Role of m6A RNA Methylation in Thyroid Cancer Cell Lines. *Int J Mol Sci.* 2022. doi: 10.3390/ijms231911516.

Hall HN et al 2022

doi: 10.1371/journal.pone.0268149

Hall HN, Bengani H, Hufnagel RB, Damante G, Ansari M, Marsh JA, Grimes GR, Kriegsheim AV, Moore D, McKie L, Rahmat J, Mio C, Blyth M, Keng WT, Islam L, McEntargart M, Mannens MM, Heyningen VV, Rainger J, Brooks BP, FitzPatrick DR. Monoallelic variants resulting in substitutions of MAB21L1 Arg51 Cause Aniridia and microphthalmia. *PLoS One.* 2022. doi: 10.1371/journal.pone.0268149.

Franzoni A et al 2023

doi: 10.1007/s12020-022-03244-z

Franzoni A, Baldan F, Passon N, Mio C, Driul D, Cogo P, Fogolari F, D'Aurizio F, Damante G. Novel IGFALS mutations with predicted pathogenetic effects by the analysis of AlphaFold structure. *Endocrine.* 2023. doi: 10.1007/s12020-022-03244-z.

COMPETENZE PROFESSIONALI

Competenze professionali

1. Biologia molecolare (estrazione acidi nucleici, elettroforesi, PCR, RT-PCR, qPCR, ddPCR, MS-ddPCR, HRM, ChIP);
2. Genome editing (CRISPR-Cas9);

3. Proteomica (estrazione proteine, WB);
4. Colture cellulari (trasfezione, RNA interference, MTT, comet assay);
5. Colture batteriche e trasformazione;
6. Esperimenti in vivo (Danio Rerio);
7. Sequenziamento Sanger
8. Sequenziamento NGS su piattaforma Ion Torrent;
9. Analisi di dati di sequenziamento NGS (target panel, clinical exome, gene expression analysis);
10. Compilazione e analisi di alberi genealogici con calcolo del rischio relativo di trasmissione di caratteri e patologie a base genetica.

1. Incaricato esterno di insegnamento per il modulo Genetica Medica (SSD MED/03) inserito nell'insegnamento Meccanismi biologici fondamentali presso il Corso di Laurea in Infermieristica, sede di Udine (Università degli Studi di Udine) a partire dall'anno accademico 2017/2018 fino al 2021/2022.

1. Incaricato esterno di insegnamento per il modulo Diagnostica Molecolare - modulo II (SSD BIO/12) inserito nell'insegnamento Diagnostica Molecolare presso il Corso di Laurea in Biotecnologie (Università degli Studi di Udine) nell'anno accademico 2022/2023.

1. Titolare dell'insegnamento del modulo di Genetica Medica (SSD MED/03) inserito nel corso integrato di Meccanismi biologici fondamentali presso il Corso di Laurea in Infermieristica, sede di Udine (Università degli Studi di Udine) a partire dall'anno accademico 2022/2023.

1. Titolare dell'insegnamento del modulo di Genetica Medica (SSD MED/03) inserito nel corso integrato di Basi molecolari della vita presso il Corso di Laurea in Ostetricia (Università degli Studi di Udine) a partire dall'anno accademico 2022/2023.

1. Titolare dell'insegnamento del modulo di Biomarcatori genetici e modelli di patologie - modulo II (SSD MED/03) inserito nel corso integrato di Modelli e marcatori cellulari e loro analisi presso il Corso di Laurea in Biotecnologie Molecolari (Università degli Studi di Udine) a partire dall'anno accademico 2022/2023.

1. Tutor di tesi (triennali e magistrali) presso il laboratorio di Genetica medica del Dipartimento di Area Medica (Università degli Studi di Udine).

1. Revisore per diverse riviste scientifiche internazionali.

PARTECIPAZIONE A CONVEGNI

SIBBM2015 (Poster)

Catia Mio, Elisa Lavarone, Federica Baldan, Barbara Toffoletto, Cinzia Puppini, Sebastiano Filetti, Cosimo Durante, Diego Russo, Carla Di Loreto, Giuseppe Damante, 'MCM5 as a target of BET inhibitors in thyroid cancer cells'.

ESHG 2015 (Poster)

Alessandra Franzoni, Elitza Markova-Car, Sanja Dević-Pavlič, Davor Jurišić, Cinzia Puppini, Catia Mio, Marila De Luca, Giulia Petruz, Sandra Kraljević Pavelić, Giuseppe Damante, 'A polymorphic ggc repeat in the npas2 gene and its association with melanoma';

ETA 2017 (Oral Presentation)

Catia Mio, Federica Baldan, Lorenzo Allegri, Diego Russo and Giuseppe Damante. 'Analysis of the biological mechanisms de-regulated after pharmacological BET inhibition in a model of anaplastic thyroid cancer';

SABC2017 (Spotlight Poster Presentation)

Lorenzo Gerratana, Fabio Puglisi, Giuseppe Damante, Catia Mio. 'Induction of epigenetic BRCAness in BRCA1 wild-type triple negative breast cancer: BET inhibition as a therapeutic strategy'

SIGU2017 (Poster)

Catia Mio, Lorenzo Allegri, Federica Baldan, Chiara Gnan, Jelena Milasin, Milos Lazic and Giuseppe Damante. 'Terapie innovative per tumori aggressivi della regione testa-collo';

ACC 2017 (Poster)

Lorenzo Gerratana, Catia Mio, Alessandra Franzoni, Debora Basile, Giuseppe Damante, Fabio Puglisi. 'Induction of epigenetic BRCAness in homologous recombination-proficient triple negative breast cancer: BET inhibition as a new therapeutic approach';

SIGU2017 (Poster)

Federica Baldan, Chiara Gnan, Catia Mio, Lorenzo Allegri, Jelena Milasin, Milos Lazic and Giuseppe Damante. 'Identificazione di sbilanciamenti genomici somatici mediante CGHarray in pazienti affetti da carcinoma orale a cellule squamose';

SIGU2018 (Poster)

Catia Mio, Federica Caponnetto, Andrea Zanello, Mattia Barbina, Carla Di Loreto, Giuseppe Damante. 'Beyond BRCA: epigenetically-mediated homologous recombination deficiency as a therapeutic choice in breast cancer'.

ESHG 2019 (Poster)

Catia Mio, Federica Baldan, Elisa Bregant, Alessandra Franzoni, Nadia Passon, Lorenzo Gerratana, Fabio Puglisi, Dora Fabbro, Giuseppe Damante. 'Droplet digital PCR-mediated evaluation of ESR1 promoter methylation in cell free-DNA';

ESHG 2019 (Poster)

Lorenzo Allegri, Federica Baldan, Catia Mio, Mario De Felice, Elena Amendola, Alessandra Franzoni, Dora Fabbro, Giuseppe Damante. 'BAZ1B is a candidate gene responsible for hypothyroidism in Williams syndrome';

SIGU2019 (Poster)

Catia Mio, Nadia Passon, Federica Baldan, Elisa Bregant, Elisabetta Monaco, Loretta Mancini, Eliana Demori, Giuseppe Damante. 'CACNA1C haploinsufficiency accounts for the common features of interstitial 12p13.33 deletion carriers'.

SIGU2020 (Poster)

Catia Mio, Federico Fogolari, Laura Pezzoli, Angela Valentina D'Elia, Maria Iascone, Giuseppe Damante. 'Missense NR2F1 variant in monozygotic twins affected with the Bosch-Boonstra-Schaaf optic atrophy syndrome'.

ESHG2021 (Poster)

Dora Fabbro, Catia Mio, Federico Fogolari, Giuseppe Damante. 'A novel de novo missense NIPA1 mutation causing hereditary spastic paraplegia'.

SIGU2021 (Poster)

Catia Mio, Dora Fabbro, Federico Fogolari, Giuseppe Damante. 'A novel de novo missense NIPA1 mutation causing hereditary spastic paraplegia'.

SIPMeT 2021 (Poster)

Chiara Dal Secco, Catia Mio, Stefania Marzinotto, Elena Betto, Claudio Bruno, Santa Pimpo, Martina Bertoni, Corrado Pipan, Emanuela Sozio, Carlo Tascini, Giuseppe Damante, Francesco Curcio. 'NGS-based monitoring of the spread of SARS-CoV-2 variants in Udine, Italy.'

ESHG2022 (Poster)

Catia Mio, Elisabetta Molteni, Federico Fogolari, Giuseppe Damante. 'Beyond BRCA: mutational landscape of a cohort of 186 patients with hereditary breast and ovarian cancer.'

PREMI E RICONOSCIMENTI

SIPMeT 2021 (Premio Abstract)

Chiara Dal Secco & **Catia Mio**, Stefania Marzinotto, Elena Betto, Claudio Bruno, Santa Pimpo, Martina Bertoni, Corrado Pipan, Emanuela Sozio, Carlo Tascini, Giuseppe Damante, Francesco Curcio NGS-based monitoring of the spread of SARS-CoV-2 variants in Udine, Italy.

SIGU 2022 (Premio Poster)

Catia Mio, Elisabetta Molteni, Federico Fogolari, Giuseppe Damante. 'Beyond BRCA: mutational landscape of a cohort of 186 patients with hereditary breast and ovarian cancer.'

Autorizzo il trattamento dei miei dati personali presenti nel CV ai sensi dell'art. 13 d. lgs. 30 giugno 2003 n. 196 - "Codice in materia di protezione dei dati personali" e dell'art. 13 GDPR 679/16 - "Regolamento europeo sulla protezione dei dati personali".